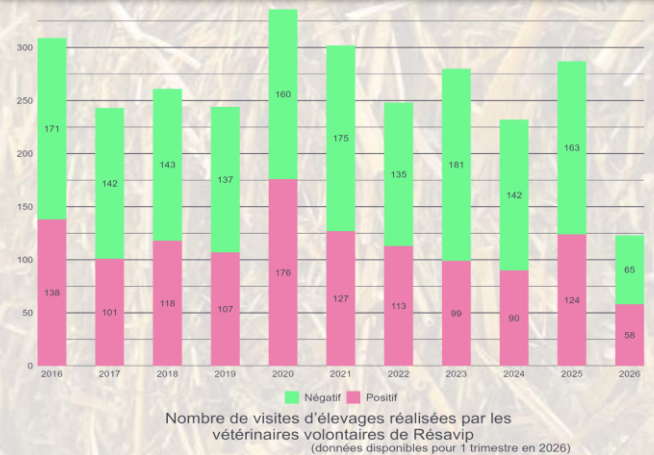


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (swIAV) en France métropolitaine. Son objectif est d'approcher la diversité et la dynamique des swIAV sur le territoire. Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA.

Résavip est un outil de surveillance nationale. Il offre à l'éleveur et au vétérinaire un résultat de détection moléculaire (positif ou négatif) rapide. Les analyses de caractérisation virale sont réalisées par le Laboratoire National de Référence Influenza porcin (Anses) et le résultat est généralement disponible sous un mois.



Bilan du 1^{er} trimestre 2026 :

Le nombre de visites de ce 1^{er} trimestre 2026 a encore augmenté par rapport au trimestre précédent et est de 123 (contre 101 au trimestre précédent). Ce nombre élevé de visites, deux trimestres consécutifs, n'avait pas été atteint depuis 2020. Les visites ont été réalisées dans **8 régions différentes**. Le taux de positivité est similaire au précédent trimestre avec 47,1% des cas positifs (contre 47,8% le trimestre précédent).

La caractérisation des virus a évolué depuis janvier 2026 avec des rapports d'analyse présentant des résultats de génotypage, c'est-à-dire d'identification par séquençage des 8 segments génomiques du virus influenza A porcin détecté dans chacun des écouvillons nasaux trouvés positifs par RT-qPCR gène M. Dans ce bulletin, la nomenclature du sous-type viral est renseignée comme au niveau international, avec référence à l'ancien nom de lignage inscrit entre parenthèse.

Le sous-type H1C/N2G (lignage H1_{av}N2, n=22) prédomine au cours de ce trimestre. Le génotypage a distingué dans le département 40 un génotype rare (H1C.2.4.1/N2G.2/PEEEEE ou H1avN2#I), ponctuellement détecté en Dordogne en 2022. Il diffère des virus de génotype H1C.2.4.2/N2G.2/DDDDDD ou H1avN2#E majoritairement détectés sur le territoire.

Le second sous-type viral détecté ce 1^{er} trimestre 2026 a été le H1A/N1P (lignage H1_{pdm}N1_{pdm}, n=14), suivi par le virus H1C/N1EA (H1_{av}N1) rapportés, respectivement, dans 14 et 12 élevages répartis dans trois et quatre régions.

123 visites d'élevage au 1^{er} trimestre 2026



Motif de la visite

63,4%	Syndrome grippal
28,5%	Routine
8,1%	Non renseigné



Répartition mensuelle des visites

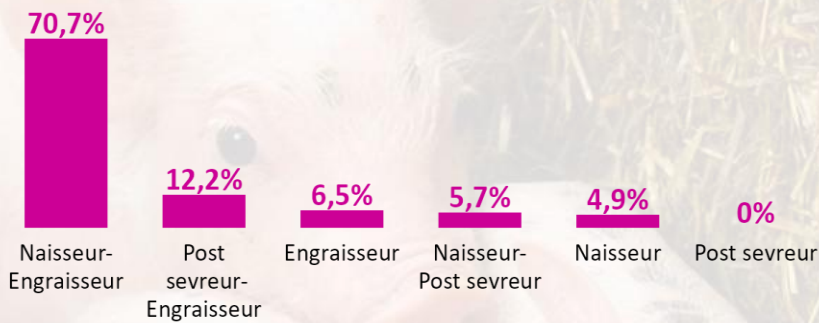
32,5%	en janvier
30,1%	en février
37,4%	en mars



Formes épidémiologiques de la grippe

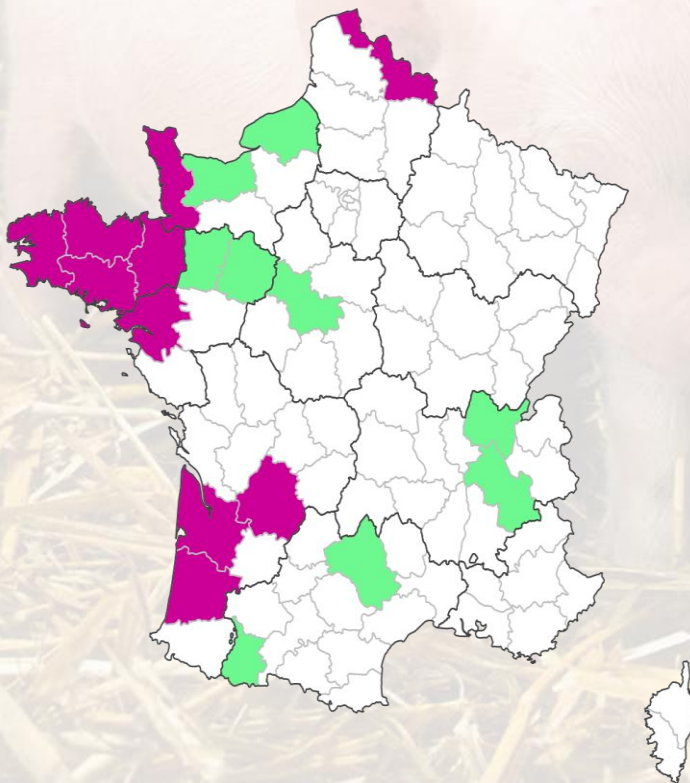
62,6%	Classique ¹
34,1%	Récurrente ²
3,3%	Non renseignée

Type d'élevage



Intensité des signes cliniques

61,8%	Normale
13,8%	Elevée
24,4%	Non renseigné



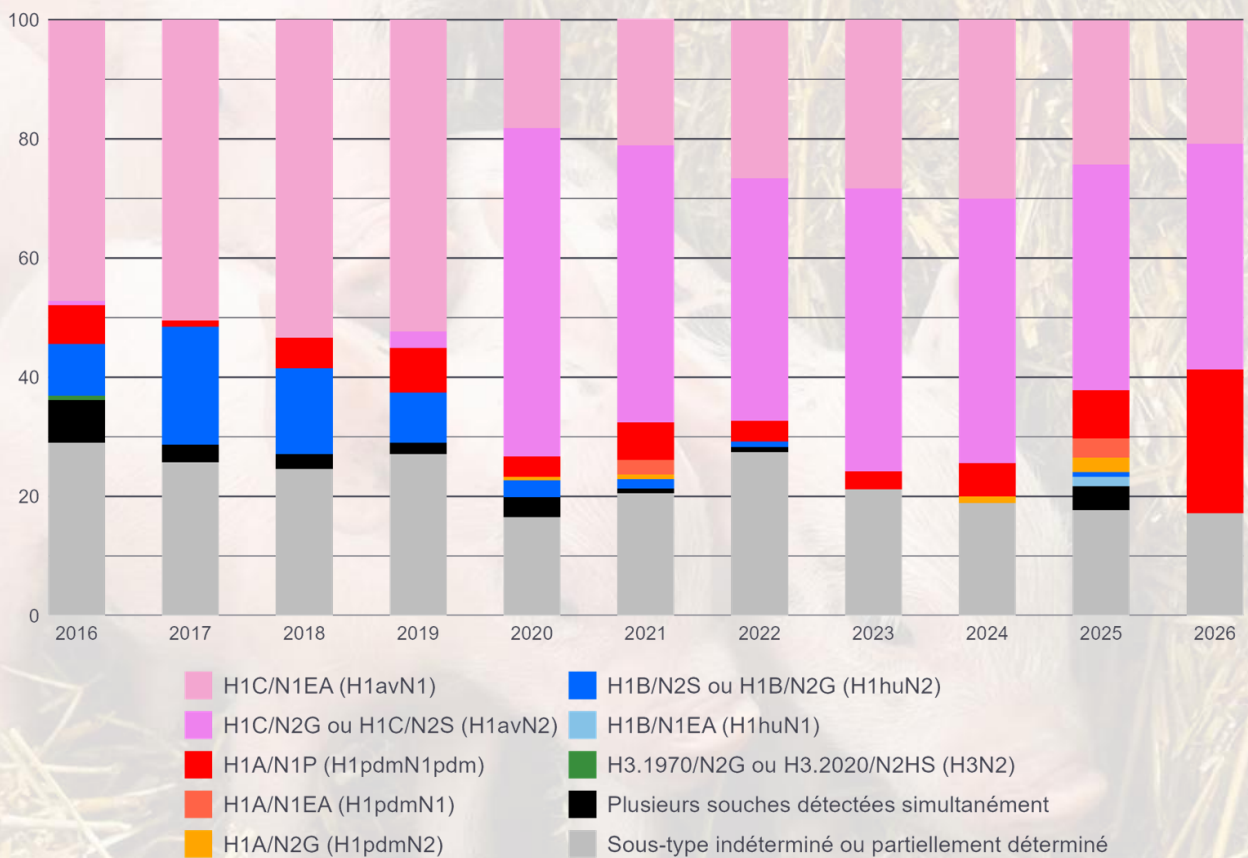
Des visites dans 19 départements de 8 régions

	Sans visite
	Toutes les visites sont négatives
	Au moins une visite est positive

1. Forme épisodique à l'échelle de l'élevage, pouvant se propager sur différentes classes d'âge au moment de l'épisode, sans caractère de récurrence à âge fixe.

2. Forme persistante à l'échelle de l'élevage, se répétant sur chaque bande ou presque dans une gamme d'âge déterminée.

	Nombre de visites d'élevages	Nombre d'élevages	Nombre de visites d'élevages positives	H1A/N1P (H1pdmN1pdm)	H1C/N1EA (H1avN1)	H1C/N2G ou H1C/N2S (H1avN2)	Sous-type indéterminé ou partiellement déterminé
Bretagne	91	79	44	10	6	18	10
Centre-Val de Loire	1	1	1	0	0	1	0
Hauts-de-France	5	4	2	0	2	0	0
Normandie	7	6	2	0	0	2	0
Nouvelle-Aquitaine	5	5	5	1	3	1	0
Pays de la Loire	10	8	4	3	1	0	0
Auvergne-Rhône-Alpes	2	2	0	0	0	0	0
Occitanie	2	2	0	0	0	0	0
Total national	123	107	58	14	12	22	10



Pour devenir vétérinaire volontaire de Résavip inscrivez-vous auprès de l'animateur régional qui vous fournira les kits de prélèvements et le document d'accompagnement des prélèvements. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale pchaigneau@lacoopagri.coop (dans l'attente du remplacement de Justine MARCHAND)