



BINA

Bulletin d'Information National

Annuel 2025

Groupe de travail Virus
Influenza Porcins (VIP)



La population porcine surveillée en 2025 avait des caractéristiques similaires aux populations surveillées depuis 2013. Des signes cliniques d'allure grippale ont été observés chez les animaux de toutes les catégories, dans tous les types d'élevage, et tout au long de l'année. Avec le nouveau DAP transmis au 1^{er} trimestre, l'information relative à la présence ou non d'autres espèces sur le site d'élevage a été renseignée dans 159 cas, et 13% des élevages étaient déclarés mixtes (n = 21/159) avec la présence de bovins ou dans quelques cas de volailles. Par ailleurs les porcins avaient accès à l'extérieur dans seulement cinq élevages d'après le renseignement de ce nouvel item. Comme chaque année, la région Bretagne a été la région où les vétérinaires ont réalisé le plus de prélèvements (209), suivie des Pays de la Loire (27) et Hauts de France (19).

Au cours de l'année, l'infection par le virus grippal a été détectée dans **43,6 % des cas investigués** (125 cas positifs sur 287 visites). Parmi ces infections, le **sous-type H1avN2** a été le plus fréquemment identifié, représentant **37,6 % des cas positifs** (47 sur 125). Le **sous-type H1avN1** a été détecté dans **24,8 % des cas** (31 cas), tandis que le **H1pdmN1pdm** représentait **8 % des infections** (10 cas). Quatre cas d'infection à virus **H1pdmN1** ont été détectés dans l'Ouest et trois cas d'infection à virus **H1pdmN2** ont également été identifiés, tous dans le département du Nord. Toujours dans les Hauts-de-France, deux virus **H1huN1** et un virus **H1huN2** ont été ponctuellement identifiés. En Bretagne, cinq cas de mélange viral ont aussi été observés. Enfin, **22 cas** correspondaient à des sous-types indéterminés ou partiellement typés, du fait d'une faible charge génomique virale dans les prélèvements.

287 visites d'élevages en 2025 (232 en 2024) réalisées dans 23 départements

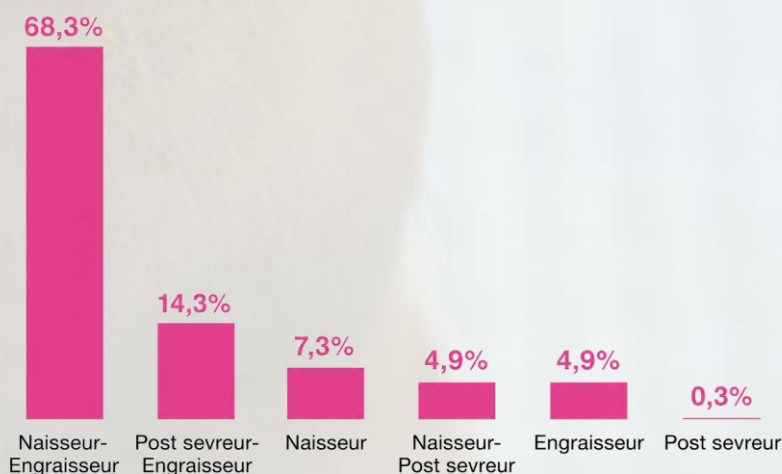


222 sites d'élevages différents

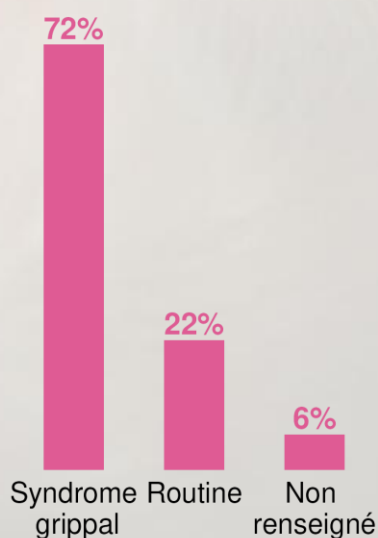
182 visités 1 fois
24 visités 2 fois
16 visités 3 à 6 fois

Les visites d'élevages concernent principalement des élevages de type NE (68,3 %).

Type d'élevage



Motif de la visite



Types de signes cliniques

Forme	Intensité normale	Intensité élevée
Classique	124 (51,2%)	28 (11,6%)
Récurrente	77 (31,8%)	13 (5,4%)

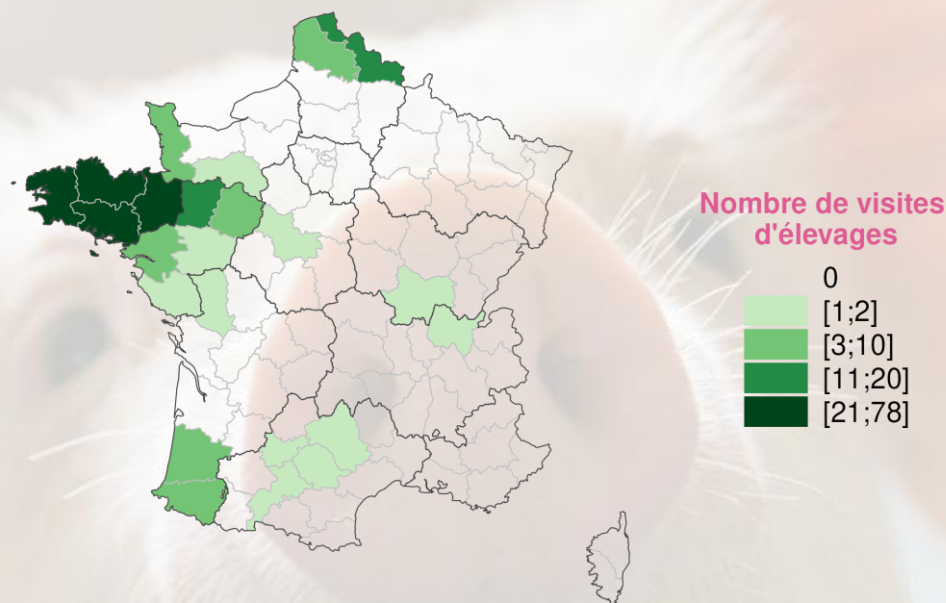


La surveillance événementielle proposée par Résavip ne garantit pas la détection des nouveaux variants dès leur apparition, ni d'avoir des informations représentatives pour estimer la prévalence ou l'incidence de la maladie et des virus. En revanche, **elle permet d'approcher la diversité et la dynamique des virus influenza A circulant chez le porc (swIAV) en France métropolitaine.**

(Pour voir les résultats détaillés se reporter au tableau en page 4)

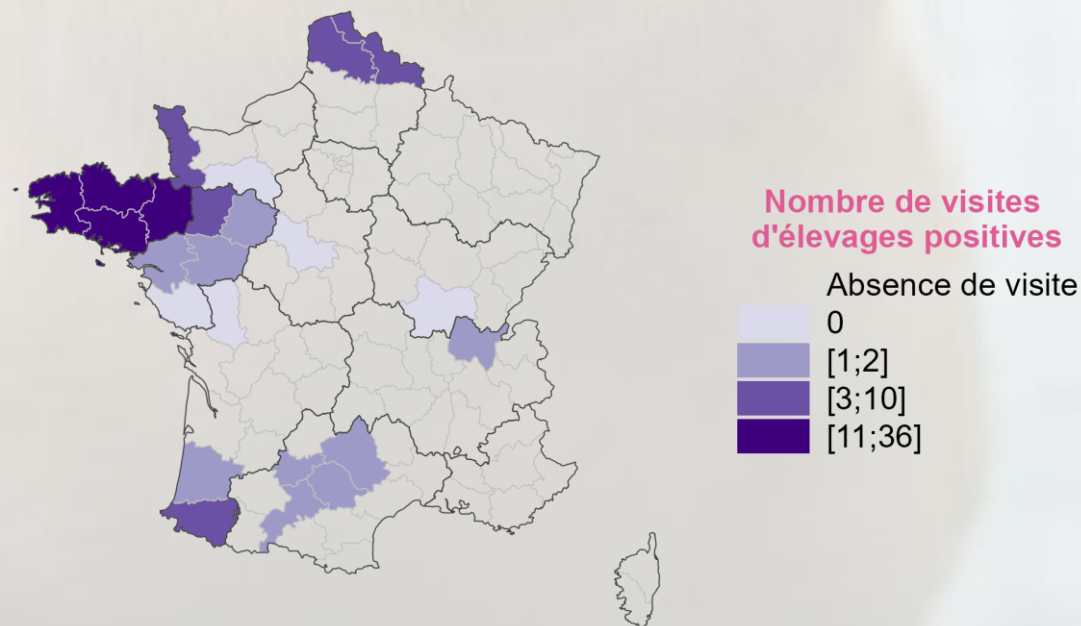
Répartition géographique des 287 visites d'élevages réalisées en 2025

→ 9 régions et 23 départements



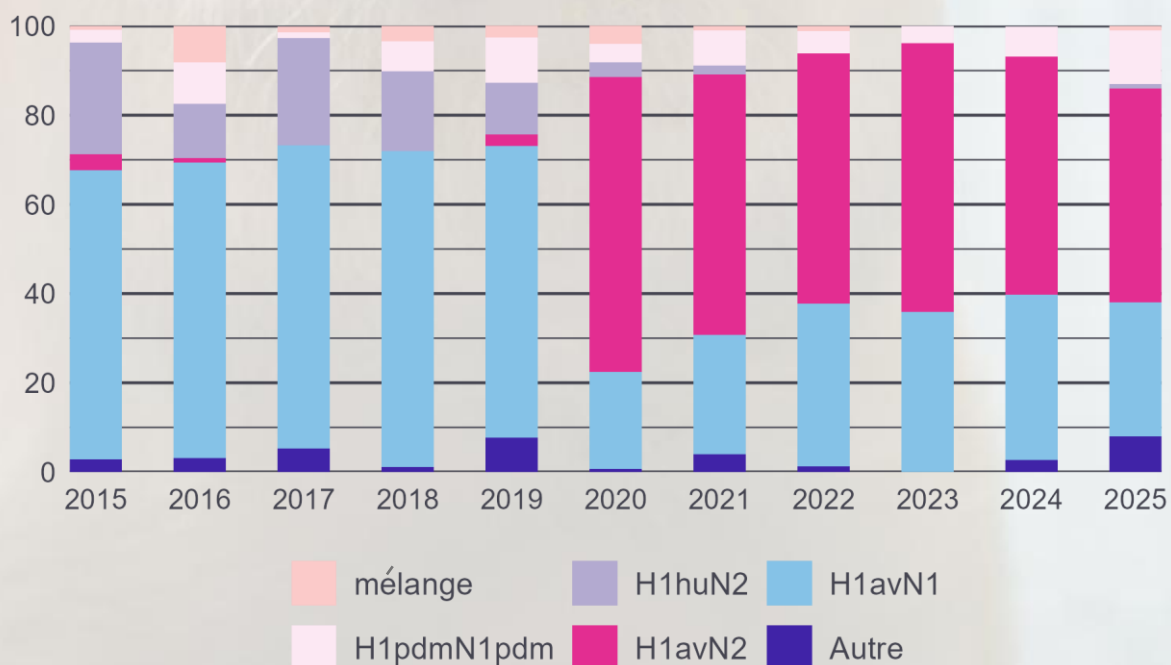
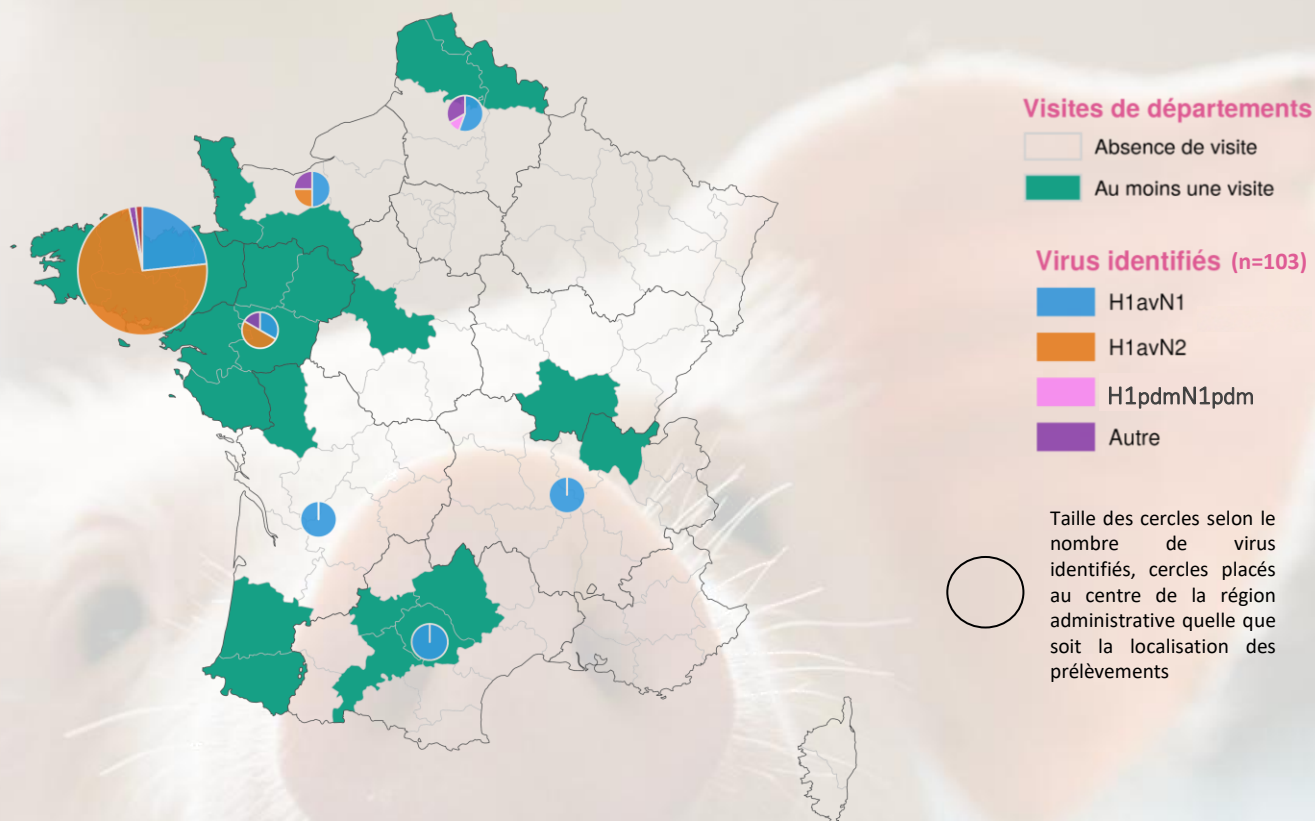
Répartition géographique des visites d'élevages ayant permis la détection de swIAV (= élevages positifs) en 2025

→ Des swIAVs détectés lors de **43,6 %** des visites (n=125)



Répartition géographique des swIAVs identifiés en 2025

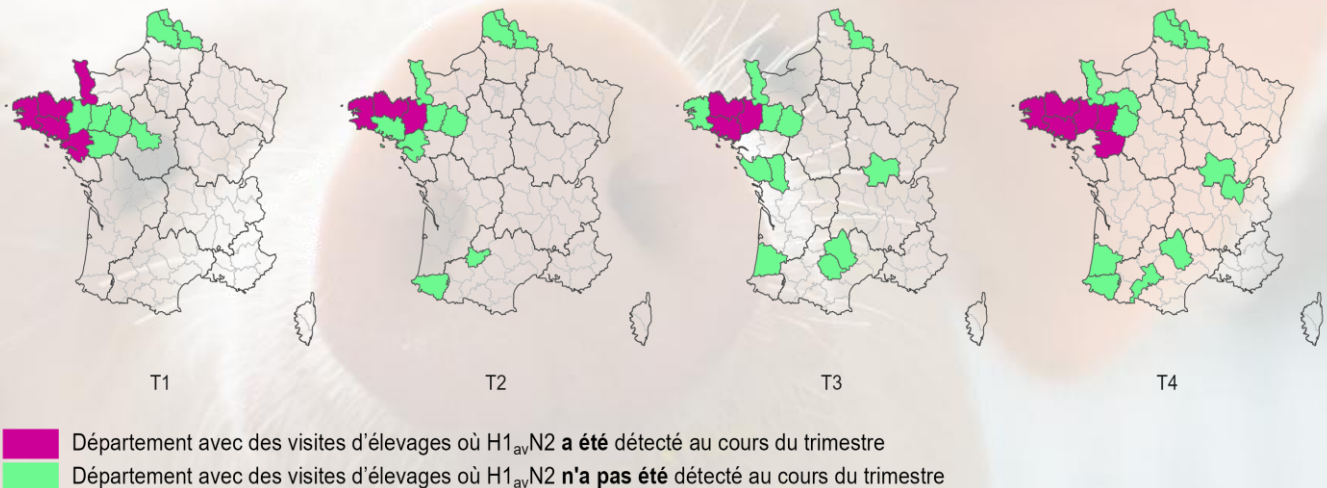
82 % (103/125) des virus détectés ont pu être identifiés



Proportions des principaux lignages de VIP identifiés par Résavip de 2015 à 2025

Résultats régionaux 2025

Région	Nombre de visites d'élevages	Nombre d'élevages	Nombre de visites d'élevages positives	H1 _{av} N1	H1 _{av} N2	H1pdm N1pdm	H1 _{hu} N2	Plusieurs souches détectées simultanément	Sous-type indéterminé ou partiellement déterminé	Autres
Auvergne-Rhône-Alpes	1	1	1	1	0	0	0	0	0	0
Bourgogne-Franche-Comté	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0
Bretagne	209	159	92	14	43	9	0	5	19	2
Centre-Val de Loire	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0
Hauts-de-France	19	16	12	5	0	1	1	0	0	5
Normandie	9	8	4	2	1	0	0	0	0	1
Nouvelle-Aquitaine	12	8	5	3	0	0	0	0	2	0
Occitanie	7	6	5	4	0	0	0	0	1	0
Pays de la Loire	27	22	6	2	3	0	0	0	0	1
Total national	287	222	125	31	47	10	1	5	22	9



Rappel : Les virus influenza porcins sont des agents à **potentiel zoonotique**, c'est-à-dire qu'ils peuvent se transmettre du porc à l'être humain. Inversement, l'Homme peut transmettre les virus de la grippe saisonnière au porc. Lorsque le porc est infecté simultanément par deux virus influenza de type A différents, ces virus peuvent échanger des segments génomiques (c'est ce que l'on appelle le réassortiment génétique) et on peut voir émerger de nouveaux virus dits réassortants. Il convient donc de limiter les échanges de virus influenza de type A entre les espèces porcine et humaine. Les **équipements de protection individuelle**, la **vaccination contre la grippe saisonnière** des personnes travaillant au contact des animaux, et la **conduite à tenir en cas de syndrome grippal** chez ces personnes ont fait l'objet de communications par les acteurs de la santé publique.

Pour en savoir plus :

- [Protection individuelle des intervenants dans les élevages de porcs \(plateforme-esa.fr\)](https://plateforme-esa.fr)
- [Virus - Vaccination contre la grippe saisonnière : la campagne est prolongée jusqu'au 28 février | Service-Public.fr](https://service-public.fr)
- [Comment agir face aux gripes aviaire et porcine \(plateforme-esa.fr\)](https://plateforme-esa.fr)

Résavip remercie les éleveurs, les vétérinaires volontaires, les animateurs régionaux, les LDAs et le personnel du LNR-IP pour leur implication et leur travail



Contact :

pchaigneau@lacoopagri.coop

