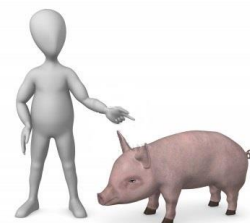
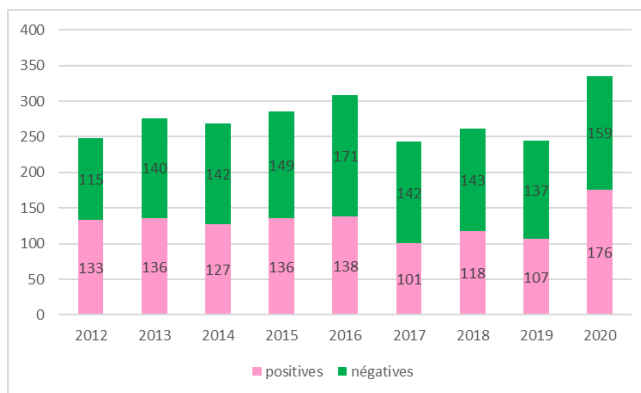


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (VIP) en France métropolitaine. Son objectif est **d'approcher la diversité et la dynamique des VIP en France métropolitaine**.

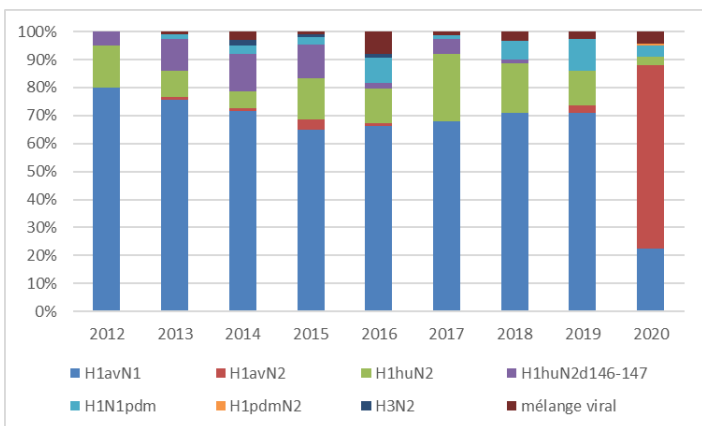
Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA (<https://www.plateforme-esa.fr/>).



Résavip est un **outil de surveillance nationale**. Il offre à l'éleveur et au vétérinaire un résultat de détection (positif ou négatif) rapide. Les analyses de sous-typage sont réalisées par le **Laboratoire National de Référence Influenza porcine** (Anses) et le résultat est généralement disponible sous un mois (la moitié des résultats en moins de deux semaines, trois quart des résultats en moins de 23 jours en 2019).



Nombre de visites d'élevages réalisées par les vétérinaires volontaires de Résavip



Proportions des principaux lignages de VIP identifiés par Résavip de 2012 à 2020

Alors que les proportions des différents lignages de VIP étaient assez stables depuis la création de Résavip en 2011, un virage s'est produit en 2020, où la **proportion du sous-type H1_{av}N2 a augmenté** alors que la proportion de H1_{av}N1, prédominant auparavant, a diminué.

Pour devenir **vétérinaire volontaire de Résavip**, inscrivez-vous auprès de **l'animateur régional** qui vous fournira les *kits de prélèvements* et le *document d'accompagnement des prélèvements*. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale (ldommergues@lacoopagri.coop).

Bilan du 2^{ème} trimestre 2021

Au deuxième trimestre 2021, l'activité de Résavip a été caractérisée par 72 visites d'élevages, ce qui est proche de la moyenne des 8 dernières années (68 visites au 2^{ème} trimestre en moyenne entre 2012 et 2020). Le taux de positivité des visites a en revanche été très faible (38% contre 43% en moyenne de 2014 à 2020 et 52% sur l'année 2020).

36 souches virales de sous-type H1_{av}N2 ont été détectées de janvier à juin 2021. Parmi elles, 29 ont pu être testées avec un nouvel outil (RT-PCR) de discrimination de la H1_{av} du virus H1_{av}N2 de génotype #E. Elles ont toutes été testées positives, confirmant l'installation de ce virus sur le territoire après son émergence et sa diffusion en 2020.

Afin d'enrichir la surveillance des virus influenza chez les porcs en France, Résavip et Ceva Santé Animale ont signé une convention de partenariat. Ce partenariat prévoit une mutualisation des données de la surveillance afin de mieux décrire l'épidémiologie de la grippe chez le porc. Il s'agit dans cette première étape d'évaluer l'intérêt technique du regroupement de données.

Erratum T1 2021 : un virus H1N1pdm a été identifié en région Bretagne au 1^{er} trimestre, et non pas un virus H1pdmN1, comme indiqué dans le précédent BINT.



72 visites d'élevages réalisées dans 5 régions

- 79 % (57/72) suite à un appel pour syndrome grippal
- 19 % (14/72) en visite de routine
- 2 % (1/72) non renseigné

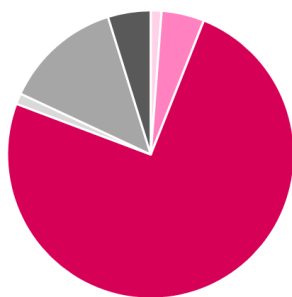
Répartition mensuelle des visites

- 27 en avril
- 23 en mai
- 22 en juin



Répartition des visites suivant le type d'élevage

- Elevages de type NE dans 75 % des cas



- Naisseur (N) (5/72)
- Naisseur-Post sevrer (NPS) (5/72)
- Naisseur-Engraisseur (NE) (54/72)
- Post sevrer (PS) (0/72)
- Post sevrer-Engraisseur (PSE) (8/72)
- Engraisseur (E) (0/72)
- NR : 0/72

Types de gripes

- 43 gripes classiques¹
- 26 gripes récurrentes²
- 3 non renseigné

Intensité des signes cliniques

- 58 gripes d'intensité normale
- 13 gripes d'intensité élevée
- 1 non renseigné

¹Forme épisodique à l'échelle de l'élevage, pouvant se propager sur différentes classes d'âge au moment de l'épisode, sans caractère de récurrence à âge fixe.

²Forme persistante à l'échelle de l'élevage, se répétant sur chaque bande ou presque dans une gamme d'âge déterminée.

| Région | Auvergne Rhône Alpes | Bourgogne Franche Comté | Bretagne | Centre Val de Loire | Grand Est | Hauts de France | Normandie | Nouvelle Aquitaine | Occitanie | PACA | Pays de la Loire | Total National |
|---|-------------------------|-------------------------------|----------|---------------------|-----------|-----------------|-----------|--------------------|-----------|------|------------------|----------------|
| Nombre de visites d'élevages ^a | 0 | 0 | 53 | 0 | 0 | 2 | 7 | 0 | 2 | 0 | 8 | 72 |
| Nombre de visites positives | 0 | 0 | 20 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 2 | 27 (38 %) |
| <i>Avian-like swine H1_{av}N1</i> | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 |
| H1_{av}N2 | 0 | 0 | 10 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 13 (48 %) |
| H1N1pdm | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 |
| <i>Human-like reassortant swine H1_{hu}N2</i> | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| <i>Human-like reassortant swine H3N2</i> | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| H1pdmN2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| Sous-types indéterminés ou partiellement indéterminés | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 9 |
| Nombre de visites d'élevages où plusieurs souches ont été détectées simultanément | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| Caractérisation virale en cours | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 |

^a Chaque kit de prélèvements Résavip comprend 3 écouvillons nasaux. On compte autant de visites d'élevages que de kits de prélèvements utilisés, même si le vétérinaire a utilisé plusieurs kits de prélèvements au cours du même déplacement.

Le test de laboratoire utilisé pour détecter le virus influenza A (RT-PCR gène M) est plus sensible que ceux utilisés pour le sous-typage moléculaire. Cette caractérisation est également dépendante de la qualité des prélèvements. Ainsi les virus détectés ne sont pas tous identifiés (sous-typés).