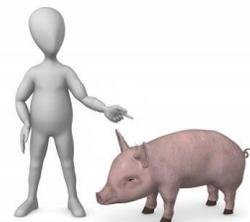
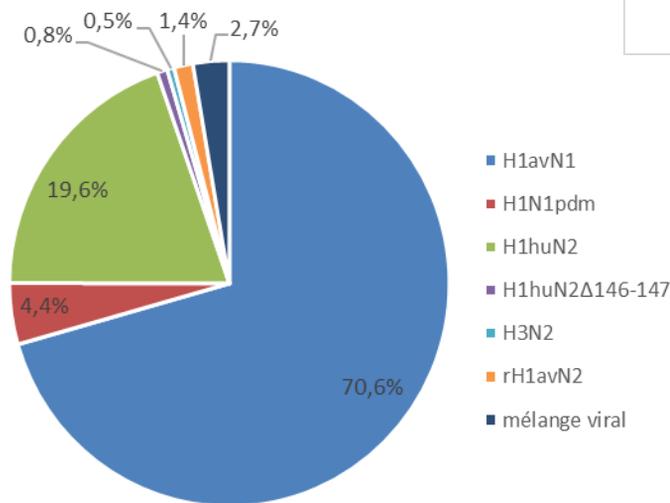


**Résavip** est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (VIP) en France métropolitaine. Son objectif est **d'approcher la diversité et la dynamique des VIP en France métropolitaine**.

Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA (<https://www.plateforme-esa.fr/>).



Plus de **2 000 visites d'élevages** ont été réalisées dans le cadre de Résavip depuis 2011, soit en moyenne 21 visites par mois. Environ la moitié des visites a permis de détecter un VIP (figure ci-contre).



**Principaux lignages de VIP identifiés par Résavip d'avril 2011 à décembre 2019**



**Nombre de visites d'élevages réalisées par les vétérinaires volontaires de Résavip**

Le LNR Influenza Porcin a pu **identifier trois quarts des VIP détectés** à l'échelle du lignage par la nature et l'origine de leur hémagglutinine et de leur neuraminidase. Le lignage le plus fréquemment rencontré est H1<sub>av</sub>N1 (figure ci-contre).

Pour devenir **vétérinaire volontaire de Résavip**, inscrivez-vous auprès de **l'animateur régional** qui vous fournira les *kits de prélèvements* et le *document d'accompagnement des prélèvements*. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale ([ldommergues@coopdefrance.coop](mailto:ldommergues@coopdefrance.coop)).

## Bilan du 1<sup>er</sup> trimestre 2020

Le premier trimestre 2020 a été marqué par la pandémie de Covid-19 et le confinement à partir du 17 mars. L'activité du réseau s'est malgré tout maintenue, avec 72 visites d'élevages contre environ 78 en moyenne pour les premiers trimestres entre 2012 et 2019.

L'autre évènement du premier trimestre est la publication de travaux réalisés par le Laboratoire National de Référence Influenza Porcin (Anses, Ploufragan) sur une nouvelle souche de virus influenza A porcin H1<sub>av</sub>N2. La mise en évidence de ce virus d'un nouveau génotype parmi les souches H1<sub>av</sub>N2 a été réalisée à partir de prélèvements en partie obtenus dans le cadre de Résavip. L'article complet est disponible à partir de ce lien :

[https://be.anses.fr/sites/default/files/R-009\\_2020-06-05\\_influenza-porcine\\_Herve\\_MaqVF.pdf](https://be.anses.fr/sites/default/files/R-009_2020-06-05_influenza-porcine_Herve_MaqVF.pdf)



### 72 visites d'élevages réalisées dans 9 régions

- 85 % (61/72) suite à un appel pour syndrome grippal
- 14 % (10/72) en visite de routine
- 1 % (1/72) non renseigné

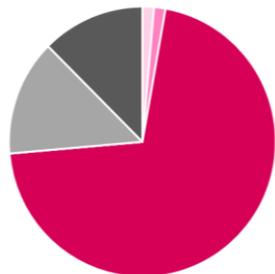
### Répartition mensuelle des visites

- 22 en janvier
- 28 en février
- 22 en mars



### Répartition des visites suivant le type d'élevage

- **Elevages de type NE dans 71 % des cas**



- Naisseur (N) (1/72)
- Naisseur-Post sevrageur (NPS) (1/72)
- Naisseur-Engraisseur (NE) (51/72)
- Post sevrageur (PS) (0/72)
- Post sevrageur-Engraisseur (PSE) (10/72)
- Engraisseur (E) (9/72)

### Types de gripes

- 42 gripes classiques
- 25 gripes récurrentes
- 5 non renseigné

### Intensité des signes cliniques

- 58 gripes d'intensité normale
- 10 gripes d'intensité élevée
- 4 non renseigné

Tableau : résultats détaillés du 1<sup>er</sup> trimestre 2020


Région		Aura	BFC	Bretagne	Centre	Pays-de-la-Loire	Occitanie		France Hauts de		TOTAL national
		Rhône-Alpes	Bourgogne				Midi Pyrénées	PACA	Picardie	Nord Pas de Calais	
Nombre de visites d'élevages <sup>a</sup>		2	1	50	1	9	1	2	1	5	72
Nombre d'élevages négatifs		1	1	29	1	6	1	0	0	3	41 (56,9%)
Nombre d'élevages positifs		1	0	21	0	3	0	2	1	2	31 (43,1%)
VIP enzootiques	Avian-like swine H1 <sub>av</sub> N1	0	1	5	0	2	0	2	0	0	10 (32,2%)
	Human-like reassortant swine H1 <sub>hu</sub> N2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1
	Variant Human-like reassortant swine H1 <sub>hu</sub> N2 <sub>Δ146-147</sub>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	Human-like reassortant swine H3N2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	H1N1pdm	0	0	2	0	1	0	0	1	0	4
VIP réassortants (rH1 <sub>av</sub> N2)		0	0	3	0	0	0	0	0	1	4
Virus non identifiés	Sous-types indéterminés (H?N?) et partiellement indéterminés (ex : H?N1, H?N2, H1 <sub>av</sub> N?, H1 <sub>hu</sub> N?)	1	0	9	0	0	0	0	0	1	11
Mélange viral		0	0	1	0	0	0	0	0	0	1
Caractérisation virale en cours		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

**a** : Une visite d'élevage correspond à une suspicion qui a amené le vétérinaire à utiliser un kit de prélèvement Résavip. Il peut arriver qu'un vétérinaire réalise plus de 3 prélèvements au cours d'un même déplacement dans un site d'élevage ou effectue plusieurs déplacements successifs. Dans ce cas, on compte autant de visites que de kits de prélèvements utilisés.

Le test de laboratoire utilisé pour détecter le virus influenza A (RT-PCR gène M) est plus sensible que ceux utilisés pour le sous-typage moléculaire. Cette caractérisation est également dépendante de la qualité des prélèvements. Ainsi les virus détectés ne sont pas tous identifiés (sous-typés).



Plateforme ESA  
Epidémiologie santé animale