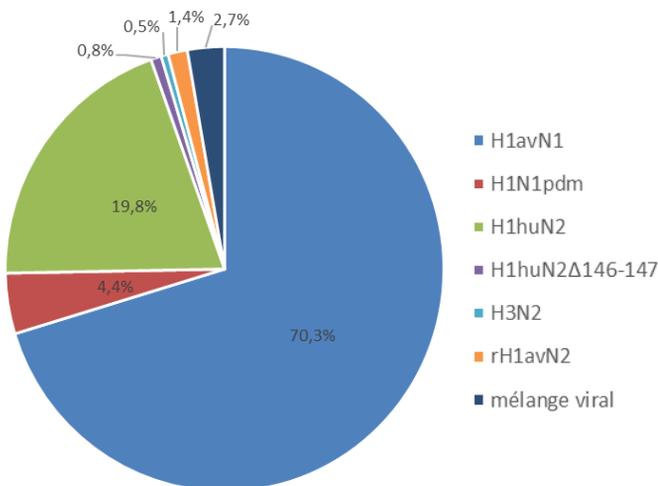
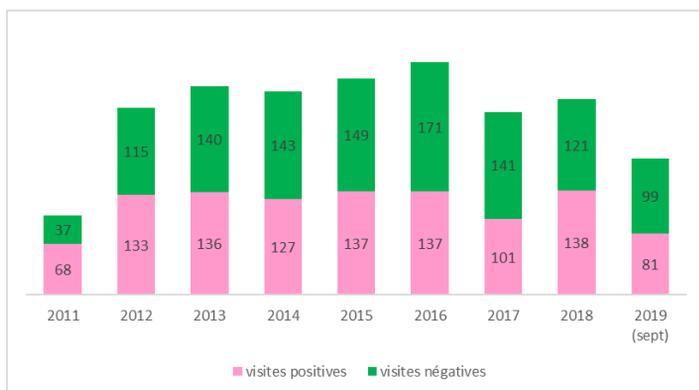


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (VIP) en France métropolitaine. Son objectif est **d'approcher la diversité et la dynamique des VIP en France métropolitaine**.

Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA (<https://www.plateforme-esa.fr/>).



Plus de **2 000 visites d'élevages** ont été réalisées dans le cadre de Résavip depuis 2011, soit en moyenne 21 visites par mois. Environ la moitié des visites a permis de détecter un VIP (figure ci-contre).



Nombre de visites d'élevages réalisées par les vétérinaires volontaires de Résavip

Le LNR Influenza Porcin a pu **identifier trois quarts des VIP détectés** à l'échelle du lignage par la nature et l'origine de leur hémagglutinine et de leur neuraminidase. Le lignage le plus fréquemment rencontré est H1_{av}N1 (figure ci-contre).

Principaux lignages de VIP identifiés par Résavip de mars 2011 à septembre 2019

Pour devenir **vétérinaire volontaire de Résavip**, inscrivez-vous auprès de **l'animateur régional** qui vous fournira les *kits de prélèvements* et le *document d'accompagnement des prélèvements*. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale (ldommergues@coopdefrance.coop).

Baisse du nombre de visites au 3^{ème} trimestre 2019

Au cours de ce trimestre, 44 visites ont eu lieu dans 6 régions, ce qui est en dessous de la moyenne du nombre de visites au 3^{ème} trimestre depuis 2011 (moyenne = 52).

Environ un tiers des visites ont permis de détecter des virus influenza A (16/44). Le virus H1_{av}N1 est le seul lignage qui a été identifié ce trimestre (11/16 cas positifs). Deux analyses sont toujours en cours et dans trois cas le sous-type n'a pas pu être identifié.

Deux nouveaux vétérinaires volontaires ont intégré Résavip au cours de ce trimestre. Ils ont effectué chacun un prélèvement, l'un en Bretagne et l'autre en Midi-Pyrénées. Nous les remercions pour leurs prélèvements et leur souhaitons la bienvenue au sein du réseau !



44 visites d'élevages réalisées dans 6 régions

- 70 % (31/44) suite à un appel pour syndrome grippal
- 25 % (11/44) en visite de routine
- 5 % (2/44) non renseigné

Répartition mensuelle des visites

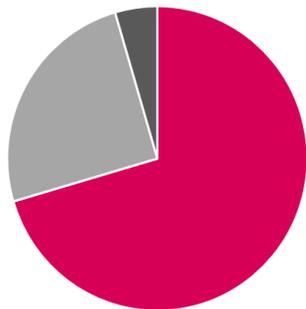
- 8 en juillet
- 18 en août
- 18 en septembre



Répartition des visites suivant le type d'élevage

- Elevages de type NE dans 70 % des cas

- Naisseur (N) (0/44)
- Naisseur-Post sevrer (NPS) (0/44)
- Naisseur-Engraisseur (NE) (31/44)
- Post sevrer (PS) (0/44)
- Post sevrer-Engraisseur (PSE) (11/44)
- Engraisseur (E) (2/44)



Types de gripes

- 22 gripes classiques
- 18 gripes récurrentes
- 4 non renseigné

Intensité des signes cliniques

- 32 gripes d'intensité normale
- 10 gripes d'intensité élevée
- 2 non renseigné

Précisions

Le nombre mensuel de visites varie d'une région à l'autre car il dépend de plusieurs facteurs parmi lesquels :

- La participation volontaire des éleveurs et des vétérinaires à Résavip
- L'organisation de la filière, la densité et la taille des élevages
- Le maillage vétérinaire

Résultats de la surveillance

(Pour voir les résultats détaillés se reporter au tableau en page 4)



36 % des visites d'élevage (16/44) ont permis de détecter la présence de VIP



Virus *avian-like swine* H1_{av}N1

- ✓ Seul lignage de virus identifié ce trimestre
- ✓ Dans 11 élevages parmi les 14 élevages où du génome de virus influenza A a été détecté
- ✓ Chez des porcs en croissance et des cochettes dans des élevages de type NE, PSE et E
- ✓ En Bretagne, dans le Nord-Pas-de-Calais (Hauts-de-France), dans les Pays-de-la-Loire et en Normandie

Autre :

- ✓ 2 analyses sont encore en cours
- ✓ 3 lignages n'ont pas pu être identifiés

Absence (l'absence de détection ne signifie pas forcément une absence de circulation)

Virus H3N2 / H1_{hu}N2 / H1N1pdm / rH1_{av}N2 / H1_{hu}N2_{Δ146-147} / mélange viral

Les éleveurs, les vétérinaires volontaires, les animateurs régionaux, les LDAs, les Srals et le LNR-IP sont remerciés pour leur implication et leur travail



Tableau : résultats détaillés du 3^{ème} trimestre 2019

Région		Bretagne	Hauts de France	Normandie	Pays-de-la-Loire	Nouvelle-Aquitaine	Occitanie	TOTAL national
			NPC			Aquitaine	Mid-Pyrénées	
Nombre de visites d'élevages ^a		29	4	5	3	2	1	44
Nombre d'élevages négatifs		19	3	2	2	1	1	28 (63,6%)
Nombre d'élevages positifs		10	1	3	1	1	0	16 (36,3%)
VIP enzootiques	<i>Avian-like swine</i> H1 _{av} N1	6	1	3	1	0	0	11 (25,0%)
	<i>Human-like reassortant swine</i> H1 _{hu} N2	0	0	0	0	0	0	0
	<i>Variant Human-like reassortant swine</i> H1 _{hu} N2 _{Δ146-147}	0	0	0	0	0	0	0
	<i>Human-like reassortant swine</i> H3N2	0	0	0	0	0	0	0
	H1N1pdm	0	0	0	0	0	0	0
VIP réassortants (rH1 _{av} N2)		0	0	0	0	0	0	0
Virus non identifiés	Sous-types indéterminés (H?N?) et partiellement indéterminés (ex : H?N1, H?N2, H1 _{av} N?, H1 _{hu} N?)	2	0	0	0	1	0	3
Mélange viral		0	0	0	0	0	0	0
Caractérisation virale en cours		2	0	0	0	0	0	2

a : Une visite d'élevage correspond à une suspicion qui a amené le vétérinaire à l'utilisation d'un kit de prélèvement Résavip. Il peut arriver qu'un vétérinaire réalise plus de 3 prélèvements au cours d'un même déplacement dans un site d'élevage ou effectue plusieurs déplacements successifs. Dans ce cas, on compte autant de visites que de suspicions

Le test de laboratoire utilisé pour détecter le virus influenza A (RT-PCR gène M) est plus sensible que ceux utilisés pour le sous-typage moléculaire. Cette caractérisation est également dépendante de la qualité des prélèvements. Ainsi les virus détectés ne sont-ils pas tous identifiés (sous-typés).



Plateforme ESA
Epidémiologie santé animale