

Veille sanitaire internationale	
Note bilan	12/11/2020

## Suivi IAHP en Europe : point au 11/11/2020 inclus

*Pour le comité de rédaction de la Plateforme ESA<sup>1</sup> : Jean-Philippe Amat, Julien Cauchard, Sophie Carles, Céline Dupuy, Sylvain Falala, Guillaume Gerbier, Viviane Henaux, Yves Lambert, Renaud Lancelot*

*Pour le laboratoire national de référence<sup>1</sup> : François-Xavier Briand, Béatrice Grasland, Sophie Le Bouquin-Leneveu, Éric Niqueux, Axelle Scoizec, Audrey Schmitz,*

*Auteurs correspondants : [julien.cauchard@anses.fr](mailto:julien.cauchard@anses.fr) et [axelle.scoizec@anses.fr](mailto:axelle.scoizec@anses.fr)*

### **Note rédigée en collaboration avec le LNR Influenza de l'Anses et l'OFB**

Les informations traitées dans cette note couvrent la saison hivernale 2020/2021 depuis la détection du premier cas au Pays-Bas le 17/10/2020 qui a été confirmé le 20/10/2020. Ces informations seront mises à jour chaque mardi dans le BHVSA et chaque jeudi dans une note dédiée sur le site internet de la Plateforme ESA.

Les nombreuses confirmations rapportées cette semaine en Allemagne, aux Pays-Bas, au Royaume-Uni, en Irlande et au Danemark, indiquent la présence d'une forte dynamique d'infection par des virus H5 hautement pathogènes (appartenant à au moins trois sous-types rapportés : H5N1, H5N5 et H5N8) au sein de l'avifaune sauvage dans le nord de l'Europe et confirment le risque élevé d'introduction de ces virus dans les élevages de ces pays où les cas ont été détectés en faune sauvage. Compte tenu de la saison actuelle de migration des oiseaux et comme la dynamique d'infection est présente dans un couloir actif de migration descendante en amont de la France, cette situation alerte également sur le risque d'introduction de ces virus en France et souligne l'importance de maintenir une vigilance particulière sur le territoire français.

### **Point sur les migrations au 02/11/2020 – source OFB (office français de la biodiversité)**

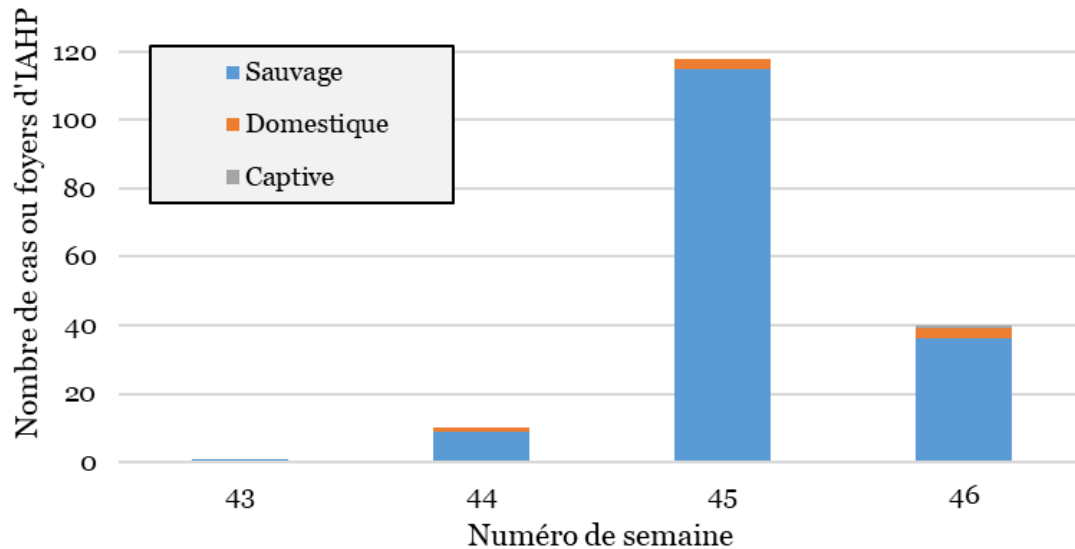
Les cas d'influenza aviaire déclarés aux Pays-Bas et en Allemagne sont tout-à-fait cohérents avec les couloirs de migrations en lien avec les cas précédemment déclarés en Russie et au Kazakhstan (voir [BHVSI-SA du 03/11/2020](#)). Le territoire français est concerné par ces migrations qui battent leur plein actuellement ; le pic d'arrivées migratoires en France a souvent lieu en novembre chez de nombreuses espèces d'anatidés.

Outre ces mouvements selon des trajets et à des périodes assez prévisibles, les anatidés sont aussi très mobiles durant la totalité de leur période d'hivernage, se déplaçant facilement entre régions voire entre pays en fonction des disponibilités alimentaires et des conditions météorologiques. Il est donc nécessaire de rester vigilants jusqu'à leur départ en migration pré-nuptiale vers le nord-est, en fin d'hiver/début du printemps.

## Incidence hebdomadaire en Europe

Au 11/11/2020 inclus, un total de sept foyers domestiques, un cas dans la faune sauvage captive et cent-cinquante-huit cas sauvages a été confirmé en Europe depuis le 20/10/2020.

<sup>1</sup> Par ordre alphabétique

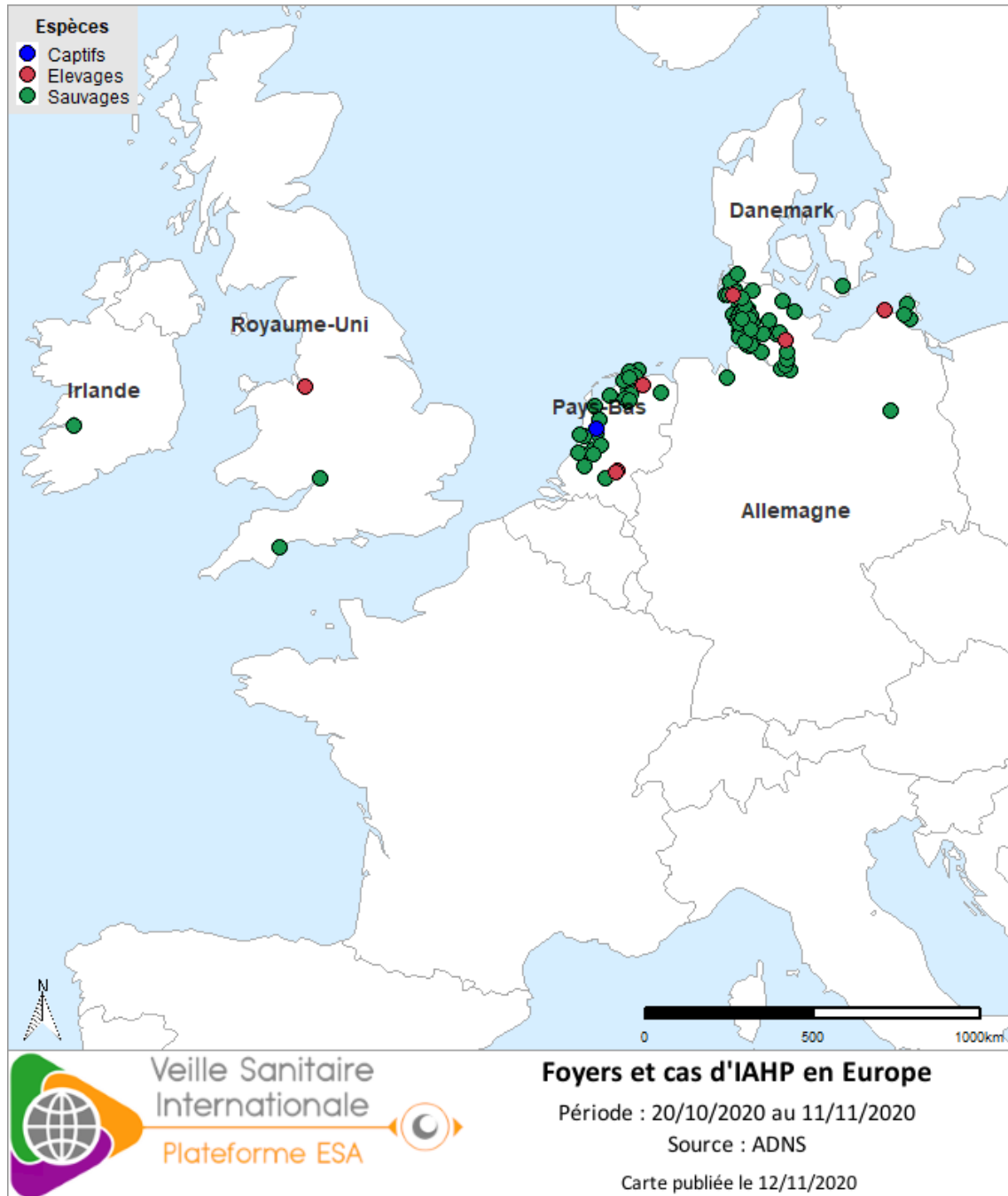


**Figure 1.** Nombre de cas ou foyers d'IAHP H5Nx par compartiment d'avifaune en Europe, confirmés entre le 20/10 et le 11/11/2020 inclus (source : Commission européenne au 12/11/2020 – 00h00). La semaine 46 n'intègre que les données des trois premiers jours

## Distribution géographique

**Tableau 1.** Nombre de foyers domestiques et cas sauvages confirmés d'IAHP H5Nx en Europe par pays du 20/10 au 11/11/2020 inclus (source : Commission européenne ADNS au 11/11/2020 - 00h00) \* dont un cas mixte H5N1/H5N8

Pays	Compartiment	Date de première confirmation	Nombre de foyers et cas confirmés pour la saison 2020	Sous-types identifiés			
				H5Nx	H5N1	H5N5	H5N8
Allemagne	Sauvage	30/10/2020	124	5	1*	6	112*
	Élevage	04/11/2020	3	/	/	1	2
Danemark	Sauvage	05/11/2020	3	/	/	1	2
Irlande	Sauvage	06/11/2020	1	/	/	/	1
Pays-Bas	Sauvage	20/10/2020	28	/	4	/	24
	Élevage	29/10/2020	3	/	/	/	3
	Captif	10/11/2020	1	/	/	/	1
Royaume-Uni	Sauvage	08/11/2020	2	/	/	/	2
	Élevage	02/11/2020	1	/	/	/	1



**Figure 2.** Localisation des cas sauvages et foyers domestiques d'IAHP H5Nx en Europe confirmés entre le 20/10 et le 11/11/2020 inclus (source : Commission européenne au 12/11/2020 – 00h00)

## Phylogénie

D'après les séquences du génome entier du virus H5N8 détecté dans le premier cas d'infection déclaré aux Pays-Bas (Beerens *et al.*), celui-ci appartient au clade 2.3.4.4b et est apparenté à des virus H5N8 ayant circulé en Égypte en 2018-2019, ainsi qu'en Europe et en Asie en 2016-2017. Ce virus est distinct des virus de l'IAHP H5N8 de même clade qui avaient circulé en Allemagne et dans plusieurs pays d'Europe de l'Est, y compris la Bulgarie, de décembre 2019 à juin 2020.

En l'absence de données publiées disponibles concernant les séquences des virus H5N8 HP détectés depuis début septembre 2020 en Russie et au Kazakhstan, leur parenté avec la souche précédente est encore incertaine mais serait plausible compte tenu des mouvements migratoires hivernaux en cours.

## Espèces concernées

**Tableau 2.** Liste des espèces sauvages et domestiques impliquées dans les cas et foyers d'IAHP en Europe et nombre de déclarations ADNS associées, du 20/10 au 11/11/2020 inclus (source : Commission européenne ADNS au 11/11/2020 - oohoo), \* détection avec plusieurs espèces

	Total par espèces	Allemagne	Danemark	Irlande	Pays-Bas	Royaume-Uni
<b>Espèces sauvages</b>						
Bernache nonette ( <i>Branta leucopsis</i> )	63*	58	2		3*	
Canard siffleur ( <i>Mareca penelope</i> )	32*	27			5*	
Oie cendrée ( <i>Anser anser</i> )	15*	6			9*	
Canard colvert ( <i>Anas platyrhynchoswas</i> )	10*	8			2*	
Cygne tuberculé ( <i>Cygnus Olor</i> )	5				5	
Faucon pèlerin ( <i>Falco peregrinus</i> )	5	3	1			1
Courlis	3	3				
Goéland argenté ( <i>Larus argentatus</i> )	3	3				
Goéland marin ( <i>Larus marinus</i> )	3	3				
Laridé (espèce non précisée)	3	3				
Mouette rieuse ( <i>Chroicocephalus ridibundus</i> )	3	2	1			
Buse variable ( <i>Buteo buteo</i> )	2	2				
Oie des moissons ( <i>Anser fabalis</i> )	2	1			1	
Courlis cendré ( <i>Numenius arquata</i> )	1				1	
Cygne noir ( <i>Cygnus atratus</i> )	1			1		
Espèce(s) non précisée(s)	1			1		
Faucon crécerelle ( <i>Falco tinnunculus</i> )	1	1				
Grue ( <i>Gruidae</i> )	1	1				
Hibou des marais ( <i>Asio flammeus</i> )	1				1	
Hibou grand-duc ( <i>Bubo bubo</i> )	1	1				
Huîtrier pie ( <i>Haematopus ostralegus</i> )	1	1				
Oie rieuse ( <i>Anser albifrons</i> )	1				1	
Pygargue à queue blanche ( <i>Haliaeetus albicilla</i> )	1	1				
Sarcelle d'hiver ( <i>Anas crecca</i> )	1				1	
<b>Espèces domestiques et captives <sup>c</sup></b>						
Basses-cours (multi-espèces)	3	2	/	/	1 <sup>c</sup>	/
Poules pondeuses	3	1	/	/	2	/
Gallus de chair - reproducteurs	2	/	/	/	1	1

## Référence

Nancy Beerens, Rene Heutink, Frank Harders, Marit Roose, Sylvia Pritz-Verschuren, Evelien Germeraad, Marc Engelsma "Novel incursion of a highly pathogenic avian influenza subtype H5N8 virus in the Netherlands", October 2020  
doi: <https://doi.org/10.1101/2020.11.03.361634>