

Veille sanitaire internationale	
Note bilan	04/11/2020

Suivi IAHP en Europe : point au 04/11/2020 à 12h00

Pour le comité de rédaction de la Plateforme ESA¹ : Jean-Philippe Amat, Julien Cauchard, Sophie Carles, Céline Dupuy, Sylvain Falala, Guillaume Gerbier, Viviane Henaux, Yves Lambert, Renaud Lancelot

Pour le laboratoire national de référence¹ : François-Xavier Briand, Béatrice Grasland, Sophie Le Bouquin-Leneveu, Éric Niqueux, Axelle Scoizec, Audrey Schmitz,

Auteurs correspondants : julien.cauchard@anses.fr et axelle.scoizec@anses.fr

Cette note a vocation à être mise à jour régulièrement en complément de la fiche présente dans le BHVSI-SA et a pour but de faire un point régulier sur la progression de l'épizootie d'influenza aviaire hautement pathogène (IAHP) en Europe. Elle couvre la saison hivernale 2020/2021 depuis la détection du premier cas au Pays-Bas le 17/10/2020 qui a été confirmé le 20/10/2020.

Les nouvelles détections rapportées cette semaine en Allemagne, aux Pays-Bas et au Royaume-Uni indiquent la présence d'une forte dynamique d'infection par des virus H5 hautement pathogènes (appartenant à au moins trois sous-types rapportés : H5N1, H5N5 et H5N8) au sein de l'avifaune sauvage dans le nord de l'Europe et confirment le risque élevé d'introduction de ces virus dans les élevages de ces pays où les cas ont été détectés en faune sauvage. Compte tenu de la saison actuelle de migration des oiseaux et comme la dynamique d'infection est présente dans un couloir actif de migration descendante en amont de la France, cette situation alerte également sur le risque d'introduction de ces virus en France et souligne l'importance de maintenir une vigilance particulière sur le territoire français.

Distribution géographique

Au total, deux foyers domestiques et vingt-six cas sauvages ont été confirmés en Europe depuis le 20/10/2020.

Tableau 1. Nombre de foyers domestiques et cas sauvages confirmés d'IAHP H5Nx en Europe par pays du 20/10 au 04/11/2020 inclus (source : Commission européenne ADNS au 04/11/2020 - 12h00)

Pays	Compartiment	Date de première confirmation	Nombre de foyers et cas confirmés pour la saison 2020	Sous-types identifiés		
				H5N1	H5N5	H5N8
Allemagne	Sauvage	30/10/2020	13		2	11
	Elevage	/	/			
Pays-Bas	Sauvage	20/10/2020	13	1		12
	Elevage	29/10/2020	1			1
Royaume-Uni	Sauvage	/	/			
	Elevage	02/11/2020	1			1

¹ Par ordre alphabétique

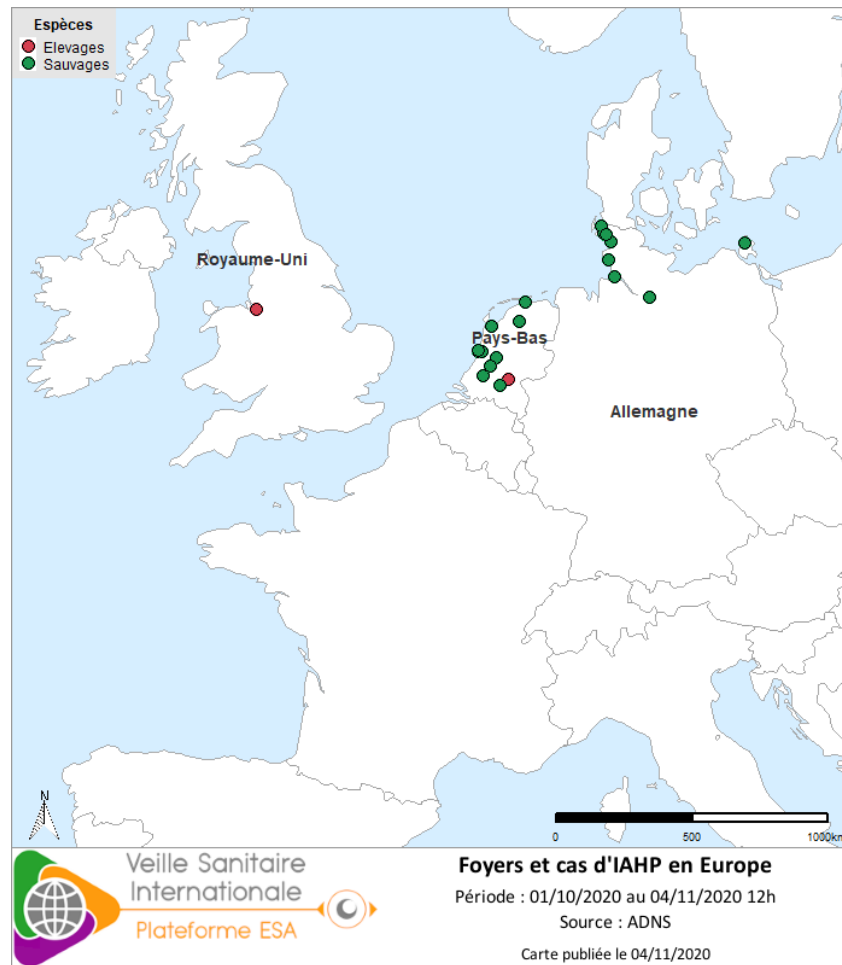


Figure 1. Localisation des cas sauvages et foyers domestiques d'IAHP H5 en Europe confirmés entre le 20/10 et le 04/11/2020 (source : Commission européenne au 04/11/2020 – 12h00)

Espèces concernées

Tableau 2. Liste des espèces sauvages et domestiques impliquées dans les cas et foyers d'IAHP en Europe et nombre de déclarations ADNS associées, du 20/10 au 04/11/2020 inclus (source : Commission européenne ADNS au 04/11/2020 - 12h00)

Pays	Allemagne	Pays-Bas	Royaume-Uni
Espèces sauvages			
Canard siffleur	4	4	/
Cygne tuberculé	/	4	/
Grand cormoran	/	1	/
Oie cendrée	/	3	/
Oie des moissons	/	1	/
Bernache nonette	4	1	/
Faucon pèlerin	2	/	/
Buse variable	1	/	/
Pygargue à queue blanche	1	/	/
Courlis	1	/	/
Espèces domestiques			
Gallus reproducteurs	/	1	1

Phylogénie

D'après les séquences du génome entier du virus H5N8 détecté dans le premier cas d'infection déclaré aux Pays-Bas (Beerens *et al.*), celui-ci appartient au clade 2.3.4.4b et est apparenté à des virus H5N8 ayant circulé en Égypte en 2018-2019, ainsi qu'en Europe et en Asie en 2016-2017. Ce virus est distinct des virus de l'IAHP H5N8 de même clade qui avaient circulé en Allemagne et dans plusieurs pays d'Europe de l'Est, y compris la Bulgarie, de décembre 2019 à juin 2020.

En l'absence de données publiées disponibles concernant les séquences des virus H5N8 HP détectés depuis début septembre 2020 en Russie et au Kazakhstan, leur parenté avec la souche précédente est encore incertaine mais serait plausible compte tenu des mouvements migratoires hivernaux en cours.

Référence

Nancy Beerens, Rene Heutink, Frank Harders, Marit Roose, Sylvia Pritz-Verschuren, Evelien Germeraad, Marc Engelsma
"Novel incursion of a highly pathogenic avian influenza subtype H5N8 virus in the Netherlands", October 2020
doi: <https://doi.org/10.1101/2020.11.03.361634>